

Tab. 2: Sequenzvariation aller *S.-neesii*-, *S.-umbrosa*- und *S.-auriculata*-Proben im Marker ITS. Basen sind kodiert als: A: Adenosin; C: Cytosin; G: Guanin; T: Thymin. Deletionen sind mit „-“ kodiert. Positionen mit mehr als einem Signal sind kodiert mit: K: G oder T; M: A oder C; N: A, C, G oder T; R: A oder G; S: C oder G; Y: C oder T.

Alignment-Positionen, an denen nur eine GenBank-Sequenz sich durch mehrer überlagernde Signale von allen anderen Proben unterscheidet wurden nicht berücksichtigt.

– Sequence variation of all *S. neesii*-, *S. umbrosa* and *S. auriculata* samples in the marker ITS. Bases are encoded as: A: adenosine; C: cytosine; G: guanine; T: thymine. Deletions are coded with “-”. Positions with more than one signal are coded with : K: G or T; M: A or C; N: A, C, G or T; R: A or G; S: C or G; Y: C or T.

Alignment positions where only one GenBank sequence differs from all other samples by multiple overlapping signals were not considered.

Alignment-Position:		66	91	134	147	149	182-185	191	195	199	200	205	206	207-212	234	242	272	281	294	308	322	364	368	393	470	474	483	509	513	525	526	527	537	544	545	568	573	579	580	582	584	585	589	590	600	609	610	617	628	672	676	684	702	709	731	741
S. auriculata 334 (KF447287)		?	?	?	?	?	????	?	?	?	?	?	?	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	-	C	G	C	C	G	C	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	T	
S. auriculata 394 (KY067597)		?	A	C	T	C	TCGG	C	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	A	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	N	C	A	C	Y	G	M	K	C	Y	G	Y	Y	G	C	R	C	R	Y	?	?	?	?		
S. auriculata 429 (KY067931)		?	?	?	?	?	TCGG	Y	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	M	Y	K	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	-	C	A	C	Y	G	M	K	C	Y	G	Y	Y	G	C	R	C	R	Y	?	?	?	?		
S. auriculata 429k1 (KY067723)		?	?	C	G	C	TCGG	C	C	C	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	A	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	T	
S. auriculata 429k2 (KY067728)		C	A	C	T	C	TCGG	T	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	T	A	C	T	A	A	T	C	G	C	C	T	-	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	A	C	C	A	C	T	T	C	G	T			
S. auriculata 429k3 (KY067722)		C	A	C	T	C	TCGG	C	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	A	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	?	?	?	?
S. auriculata 429k4 (KY067721)		?	?	?	?	?	????	?	?	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	A	C	T	C	G	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	T	
S. auriculata 429k6 (KY067725)		?	?	?	?	?	????	?	?	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	T	A	C	T	G	A	T	C	G	C	C	T	-	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	C	G	C	A	C	C	A	C	T	T	C	G	T
S. auriculata 429k8 (KY067726)		?	?	?	?	?	????	?	?	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	T	A	C	T	A	A	T	C	A	C	C	T	-	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	C	G	C	A	C	C	A	C	T	T	C	G	T
S. auriculata 429k9 (KY067720)		?	?	C	T	C	TCGG	C	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	A	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	T	G	C	C	G	T	C	C	C	C	
S. auriculata 429k10 (KY067719)		C	G	C	T	C	TCGG	C	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	A	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	?	?
S. auriculata 429k11 (KY067727)		C	A	A	T	C	TCGG	T	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	T	A	C	T	A	A	T	C	G	C	C	T	-	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	C	G	C	A	C	C	A	C	T	T	C	?	?
S. auriculata 429k14 (KY067724)		?	?	?	?	?	????	?	?	?	?	?	?	??GGCG	C	C	A	G	A	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	T	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	?	T
S. auriculata COA51832 (KR361736)		?	?	?	?	?	TCGG	C	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	A	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	?	T
S. auriculata Sau1		T	A	C	T	C	TCGG	C	C	-	C	Y	G	CCGGCG	C	C	A	G	R	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	C	
S. auriculata Sau2		T	A	C	T	C	TCGG	C	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	R	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	C	
S. auriculata Sau3		T	A	C	T	C	TCGG	C	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	R	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	C	
S. auriculata Sau4		T	A	C	T	C	TCGG	C	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	R	C	T	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	C	C	A	C	T	G	A	T	C	T	G	T	T	G	C	G	C	C	G	T	C	C	C	C	
S. neesii Sne1	Variante 1	T	A	C	T	C	TCGG	C	T	-	-	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	C	T	C	C	C
S. neesii Sne2	Variante 1	T	A	C	T	C	TCGG	C	T	-	-	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	C	T	Y	C	T
S. neesii Sne3	Variante 1	T	A	C	T	C	TCGG	C	T	-	-	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	C	G	C	C	T	C	C	C		
S. neesii Sne4	Variante 2	T	A	C	T	C	TCGG	T	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	R	G	G	T	A	T	T	A	A	T	C	G	C	C	G	T	-	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	C	G	C	A	C	C	T	C	G	C		
S. neesii Sne5	Variante 3	T	A	C	T	Y	TCGG	Y	Y	-	C/-	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	Y	A	C	T	A	R	T	C	G	C	C	T	-	Y	A	Y	C	G	C	G	C	C	R	C	C	G	C	R	C	Y	T	C	S	C			
S. neesii Sne6	Variante 1	T	A	C	T	C	TCGG	C	T	-	-	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	C	G	C	C	T	C	C	C		
S. umbrosa Sum1		T	A	C	T	C	TCGG	C	T	-	-	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	T	C	C	C	
S. umbrosa Sum2		T	A	C	T	C	TCGG	C	T	-	-	C	G	CCGGCG	C	Y	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	T	Y	C	C	
S. umbrosa Sum3		T	A	C	T	C	TCGG	C	T	-	-	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	C	T	C	C	
S. umbrosa Sum4		T	A	C	T	C	TCGG	C	T	-	-	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	C	T	Y	C	C
S. umbrosa Sum5		T	A	C	T	C	TCGG	C	T	-	-	C	G	CCGGCG	C	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	Y	G	C	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	T	C	C	C	
S. umbrosa 35124 (JF409913)		?	A	C	T	C	TCGG	C	C	-	C	C	A	CCGGCG	T	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	C	T	G	C	C	T	-	C	A	C	C	G	T	G	T	C	G	C	C	A	C	G	T	C	G	T	C	C	T	?	?
S. umbrosa (HQ130065)		?	?	?	?	?	TCGG	C	C	-	C	C	A	CCGGCG	T	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	C	T	G	C	C	T	-	C	A	C	C	G	C	G	C	C	G	C	C	A	C	G	C	T	G	C	C	T	?	?	
S. umbrosa 114AOO/11 (KC692589)		?	?	?	?	?	----	C	T	-	C	-	-	-----	C	C	A	G	G	C	A	C	T	A	G	T	C	G	C	C	T	-	T	A	T	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	C	G	C	C	T	C	?	?		
S. umbrosa 52A00/10 (KR361751)		?	?	?	?	?	TCGG	C	C	-	C	C	G	CCGGCG	C	C	A	A	A	T	A	C	T	A	G	C	C	G	C	C	T	-	C	A	C	C	G	C	G	C	C	A	C	C	G	C	A	C	C	G	C	T	T	C	?	

Unterschiede zu/differences to Variante 1

Unterschiede zu/differences to Variante 2

Heterozygote Positionen/heterozygous positions in Variante 3